



Olink™ Reveal

蛋白组学 轻松起航

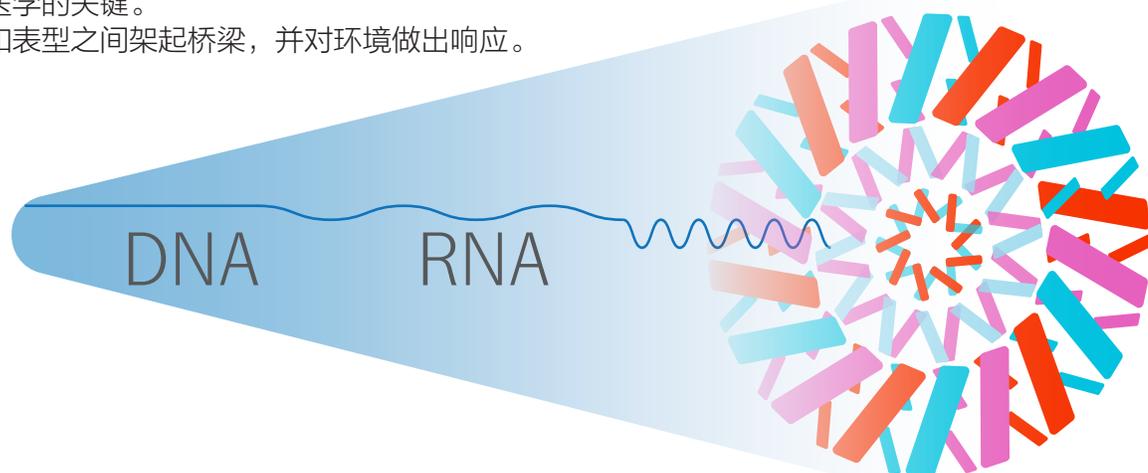
基于NGS的强大蛋白组学
帮您轻松揭示重要洞见

揭示洞见 挖掘潜能

基因组学 + 蛋白组学: 探索发现的终极合作伙伴

蛋白组学将进一步推进基因组学的成功，为人类生物学及其变化提供动态实时见解——这正是推动精准医学的关键。

蛋白质在基因型和表型之间架起桥梁，并对环境做出响应。



释放大规模蛋白组学的力量

Olink 被选中参与英国生物样本库 (UKB) 制药蛋白组学项目的60万个样本进行分析。该项目是迄今为止世界上最大的人类蛋白基因组学研究。

“迄今为止，科学界在基因组学领域投入了大量资源，以推进精准医学的发展。然而，要在正确的时间为正确的患者找到最合适的药物，我们必须超越仅依赖基因组学的局限性。这一数据集将有助于描绘出一个更加细致和详尽的图景，展示人类基因组和血液中循环蛋白如何影响人类健康和疾病——使生物医学研究人员能够识别新的生物学关联，寻找全新药物靶点，并开发基于血液的诊断方法。”

强生公司旗下杨森研发有限公司,神经科学、数据科学与数字健康总监、制药蛋白组学项目负责人, Chris Whelan 博士²。

1 - <https://www.nature.com/articles/s41586-023-06592-6>

2 - <https://www.ukbiobank.ac.uk/learn-more-about-uk-biobank/news>

英国生物样本库 (UKB) 试点研究成果¹

识别药物靶点相关通路

疾病预测评分

识别超过>14,000个蛋白质数量
性状位点 (protein QTLs)

数百篇同行评审研究成果

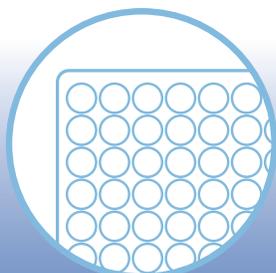
“作为基因组学实验室，利用基于 NGS 的蛋白组学很重要，这种方法可以在广泛的样本基质中使用我们实验室已有的工具。”

纽约, 威尔康奈尔医学院, Chris Mason教授

欢迎来到蛋白质组学，轻松启航

Olink Reveal: 轻松可及以NGS为基础的蛋白质组学

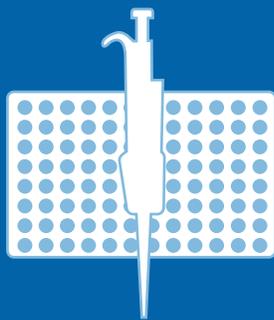
高通量蛋白分析，兼具便捷性、灵活性与高性价比。



简易的工作流程

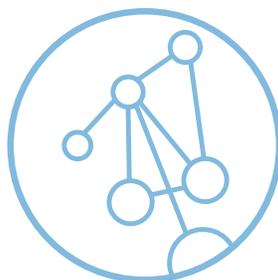
- 轻松流畅，无缝衔接NGS
- 使用标准实验室技术实现高效文库制备

Olink Reveal文库制备



简易的文库制备方案与NGS工作流程无缝衔接

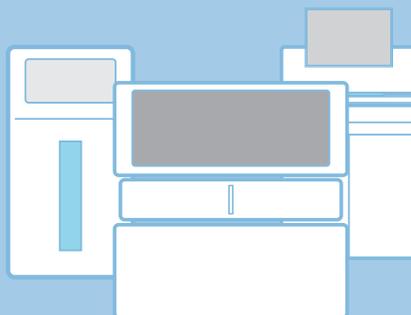
- 稀释样本，孵育，PCR
- 手工操作仅需2.5小时



强大的蛋白库

- 广泛的蛋白组覆盖
- 深入解析炎症过程

NGS数据读取



适用于多种中高通量测序仪

- NextSeq 2000 • NovaSeq X
- NovaSeq 6000 • 及更多



可及的解决方案

- 经济实惠的文库制备
- 专属数据分析工具包

分析



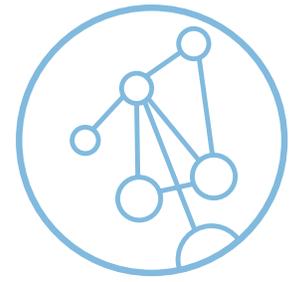
适用于各知识层级的综合软件工具

- 原始数据QC
- 数据分析和可视化

“实实施Olink实验流程非常简便，文库制备后即可送去测序，从首批队列样本中就获得了有价值的结果。”

荷兰莱顿大学医学中心，蛋白质学与代谢组学中心组长，Magnus Palmblad博士

强大的内容 可落地的洞见



精选内容解锁新发现

Olink Reveal 提供了广泛的蛋白组覆盖范围及炎症和免疫应答的深度解析。

广泛的蛋白组覆盖

在Reactome¹数据库中覆盖100%顶级通路和64%所有通路

1 - reactome.org

深入解析炎症

包括537种炎症蛋白，覆盖Reactome²数据库中96%免疫反应通路

2 - Reactome, Open Targets和基因本体论

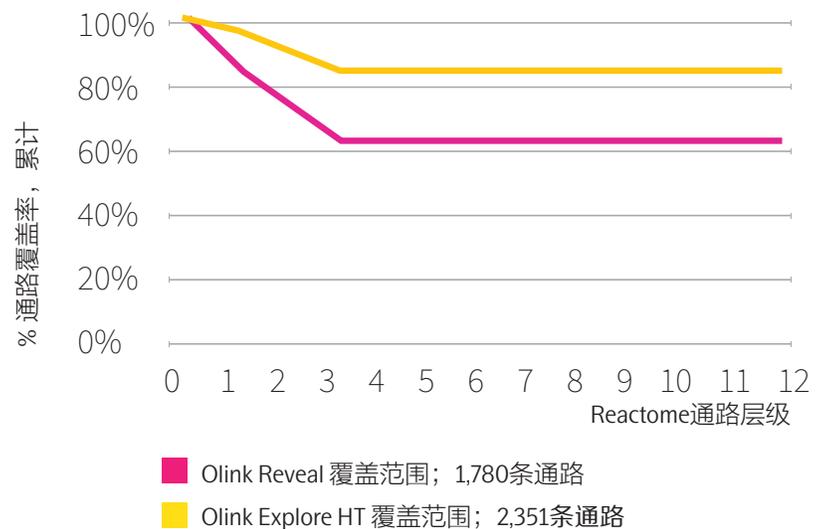
精选文库

可稳健检测1,000多种蛋白，并包含高比例的顺式蛋白质数量性状位点(cis-pQTLs)，助力蛋白质基因组学关联研究³

3 - PMID: 37794186, 39316441, 37794188



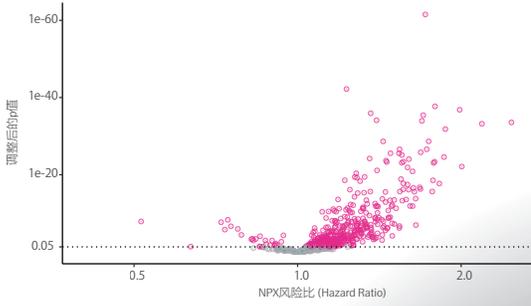
Olink Reveal覆盖了所有0级主要通路和0-12级中64%的全部通。该设计覆盖通路接近Olink Explore HT的水平，但后者的目标蛋白数量是其5倍。



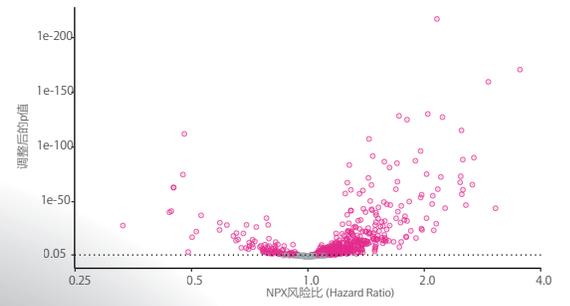
“蛋白数量和通路覆盖范围的广泛性使我们能够识别出可区分白血病患者对不同BTK抑制剂随时间不同反应的蛋白。由于其成本低廉，这将使各团队能够在大量受试者和时间点上扩大测试规模。”

瑞典卡罗林斯卡学院, Edvard Smith教授

冠状动脉粥样硬化

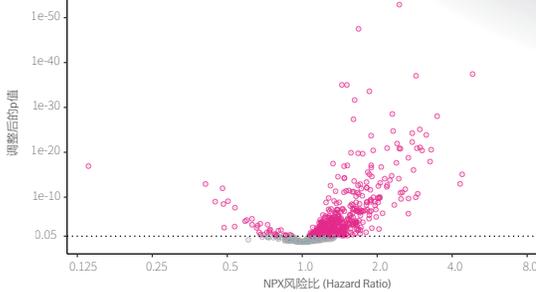


二型糖尿病

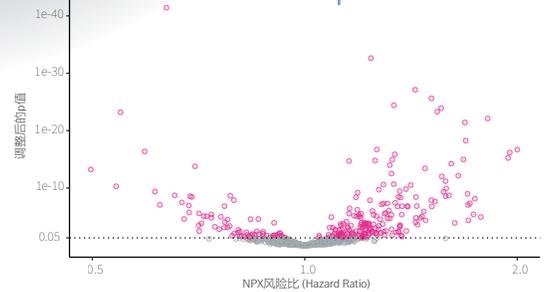


内圈：通过与英国生物银行 (UK Biobank) 结果的比较，利用 Olink Reveal 数据库识别的疾病数量，并按类别分组。详细信息请参见 insight.olink.com/olink-data/reveal-ukb
 外圈：更广泛的疾病潜在关联。

类风湿性关节炎



酗酒



火山图代表了利用 Olink Reveal 所获得的典型结果，其中粉色标记表示显著结果（调整后 $p < 0.05$ ），灰色标记表示非显著结果。

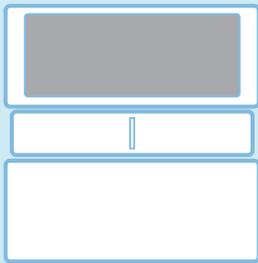
“Olink Reveal 帮助我们从生物样本库中识别发现与临床数据相关的糖尿病前期生物标志物。”

波兰比亚韦斯托克医科大学，Karol Kaminski 教授

简约而不简单， 成本与性能完美平衡



基于NGS



与 NGS 无缝衔接 -
无需新增仪器

标准技术



采用现有实验室
技术和标准移液
技术即可操作

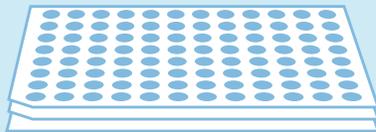
低成本



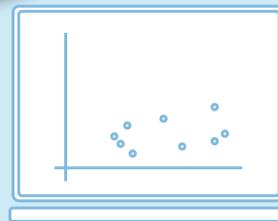
文库制备经济
测序费用更低

简捷流程

预混干燥试剂打造高效流程



全方位科研 工具箱



完整的软件工具包，
覆盖从研究设计到数
据分析及生物学解读
的全流程

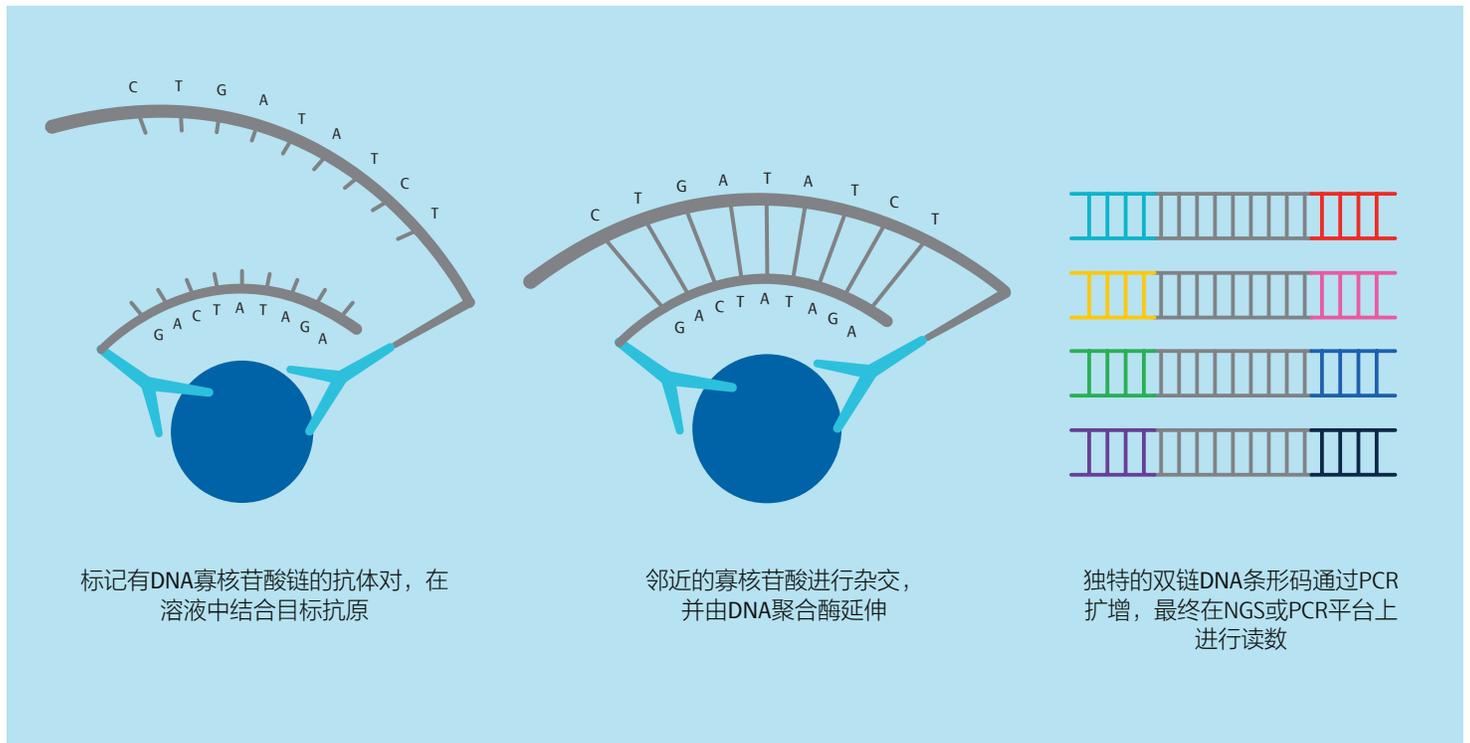
“中心实验室会对采用 Olink Reveal 非常感兴趣，因为它无需额外大规模投资，且可直接接入现有基因组学工作流程。”

瑞士苏黎世联邦理工学院，功能基因组学中心，Catharine Aquino

可靠科技 成果可鉴

PEA技术：精准且可靠的信赖之选

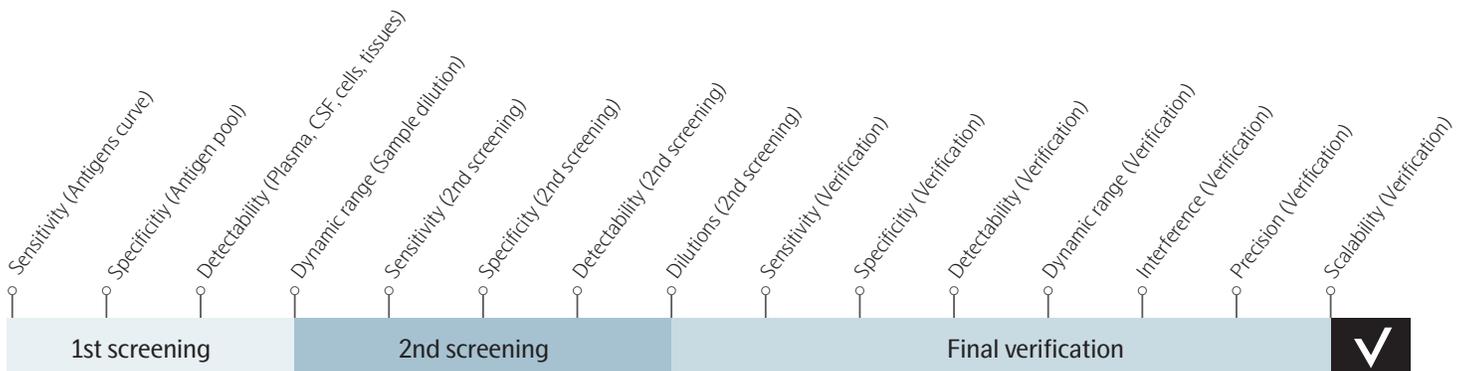
Olink Reveal 借助 Olink 的邻位延伸分析技术 (Proximity Extension Assay)，已在超过 2,400 篇已发表文章中得到验证。



树立蛋白组学新标杆

每个检测都经过我们全面的三步、十五因素检测验证流程在实验室中进行验证。

Olink Reveal文库收录了经过遗传学验证的蛋白。





Olink Reveal性能参数

- 高灵敏度：检测灵敏度低至 fg/ml
- 样品广泛兼容：已在血浆和血清中验证，同时兼容多种其他基质
- 高精度：
 - 板内变异系数(CV): 8.1%
 - 板间变异系数(CV): 4.8%
 - 不同实验室变异系数(CV): 6.3%
- 稳健的标志物检测能力：在广泛的生物标志物范围内实现可靠性能
- 生物学检出范围：86-100%
- NGS平台兼容性：支持多种平台，包括 NovaSeq X、NovaSeq 6000, NextSeq 2000及更多其他型号
- 可重复性：与其他Olink产品具有高度一致性 (R=0.95 Olink Explore HT, R=0.94 Olink Explore 3072, R=0.90 Olink Target 96 Inflammation)并且在不同实验室之间展现出极高的一致性(R= 0.96-0.98)

请与我们联系，携手开启蛋白组学的新篇章。无论是 Olink Reveal 或其他蛋白组学解决方案，更多精彩尽在 www.olink.com/reveal



© 2025 Olink Proteomics AB, part of Thermo Fisher Scientific.

Olink产品和服务仅供研究使用。不适用于诊断程序。本文件中的所有信息均可能在不通知的情况下更改。本文件无意传达任何类型的保证、声明和/或建议，除非此类保证、声明和/或建议在文件中明确陈述。Olink不对读者基于本文件的潜在行为承担任何责任。OLINK、NPX、PEA、PROXIMITY EXTENSION、INSIGHT和Olink标志是Olink Proteomics AB已注册或正在申请注册的商标。所有第三方商标均为其各自所有者的财产。Olink 的产品和检测方法受多项专利和专利申请的保护，<https://www.olink.com/patents/>。

1611, v1.1, 2025-03-06